カーオクチルフェノールの チャイニーズ・ハムスター 培養細胞を用いる 染色体異常試験

厚生省生活衛生局 委託

財団法人食品業品安全表 図 v - 秦 野 研 究 所

目次

			頁
要	約	······································	1
緒	言		2
材料	当おる	よび方法	3
	1. 1	支用した細胞	3
,	2. ±	音養液の調製	3
,	3. ⅓	音養条件	3
	4. 🏗	坡験物質	3
,	5.褚	坡験物質の調製	4
ļ	6. *	昭胞増殖抑制試験による処理濃度の決定	4
	6.1	試験条件	4
	6.2	? 標本作製法	5
	6.3	3 増殖抑制の指標とその結果	5
,	7. 3	実験群の設定	6
	7.1	直接法	6
	7.2	2 代謝活性化法	7
	7.3	3 追加試験	7
	8. 🕏	染色体標本作製法	8
	9. 💈	染色体分析	9
1	.0. 1	記録と判定	9
結	果と	考察	11
結	論		13
文	献		13

要 約

かオクチルフェノールの染色体異常誘発能を、チャイニーズ・ハムスター培養 細胞(CHL)を用いて検討した。結果は、以下のように要約される。

1)細胞增殖抑制試験

直接法における約50%の増殖抑制を示す濃度は 16 µg/ml、代謝活性化法では 40 µg/ml であった。

従って、染色体異常試験において、直接法では 16 μg/ml、代謝活性化法では 40 μg/ml の処理濃度を高濃度とし、それぞれその%の濃度を中濃度、%の濃度 を低濃度として用いた。

2) 染色体異常試験

直接法により、CHL細胞を24時間および48時間処理した結果、高濃度では分裂 抑制のため染色体観察ができなかったが、中濃度および低濃度では、染色体の構造異常や倍数性細胞の誘発作用は認められなかった。また、代謝活性化法においても、S9mix 存在下および非存在下のいずれの処理条件においても、染色体異常の誘発作用は認められなかった。なお、S9mix 非存在下の5 µg/ml 以上の群では分裂抑制が顕著であった。

3) 結 論

p-オクチルフェノールは、今回実施した試験条件下で、試験管内の CHL細胞に 染色体異常を誘発しないと結論した。

緒 言

0ECD既存化学物質安全性点検に係る毒性調査事業の一環として、日本が独自に選定した既存化学物質の1つである、かオクチルフェノールの培養細胞に及ぼす細胞遺伝学的影響を評価するため、チャイニーズ・ハムスター培養細胞(CHL)を用いて試験管内染色体異常試験を実施した。

上記の試験は、「新規化学物質に係る試験の方法について」(昭和62年3月31日,環保業第237号,薬発第306号,62基局第303号)および0ECDガイドライン:473 に準拠し、化学物質 GLP (昭和59年3月31日,環保業第39号,薬発第229号,59基局第85号,改訂昭和63年11月18日,環企研第233号,衛生第38号,63基局第823号)に基づいて実施したものである。

材料および方法

1. 使用した細胞

リサーチ・リソースバンク (JCRB) から入手 (1988年2月、入手時:継代4代) したチャイニーズ・ハムスター由来の CHL細胞を、解凍後継代10代以内で試験に用いた。

この CHL細胞株は、染色体異常試験の検出感度にすぐれているため常用されている。

2. 培養液の調製

培養には、牛胎児血清 (FCS; J.R. Scientific; ロット番号 C019407, Bocknek; ロット番号 SF70521) を10%添加したイーグル MEM培養液を用いた。MEM培養液は、イーグル MEM培地「ニッスイ」①粉末 (日水製薬) 9.4gを1ℓの蒸留水に溶解し、121℃で15分間、高圧蒸気滅菌したのち、L-グルタミン (滅菌済み、日水製薬) 300 mg と10% NaHCO3 溶液 12.5 ml を加えて調製した。 2倍濃度のMEM 培養液は、上記の培地 9.4gを 500 ml の蒸留水に溶解し、以下 MEM培養液と同様に調製した。

3. 培養条件

2×10⁴個の CHL細胞を、培養液 5 mlを入れたシャーレ (径 6 cm、Corning) に 播き、37℃の CO₂インキュベーター (5% CO₂) 内で培養した。

4. 被験物質

p-オクチルフェノール (CAS No. 3780-50-5, 略称: OP, ロット番号

)は白色結晶状で、DMSO

(ジメチルスルホキシド) に 535.2 mg/ml まで可溶、水に1.7%(w/w) まで溶ける。分子式 C14H220H、分子量 206.4、融点 84℃の物質で、純度は 97%以上である()。本実験では被験物質がDMSOに可溶であることから、溶媒としてDMSOを用いた。原体の安定性に関しては情報は得られなかったが、秦野研究所分析化学研究室で実施したエームス試験(試験計画番号: M-91-187) におけるDMSO中での安定性試験では 0.0125~20.0 mg/ml の濃度範囲で 3 時間は安定であった。

5. 被験物質の調製

被験物質の調製は、使用のつど行った。原体をDMSO(Sigma Chemical Co.、ロット番号:129F0413)に溶解して原液を調製し、ついで原液をDMSOで順次希釈して所定の濃度の被験物質調製液を作製した。被験物質調製液は、全ての試験において培養液の 0.5%(v/v) になるように加えた。染色体異常試験においては、直接法および代謝活性化法に用いた最高濃度群と最低濃度群について、被験物質調製液の含量測定を秦野研究所分析化学研究室において行った。その結果、調製液の濃度は、すべて許容範囲内(平均含量が添加量の85%以上)の値であった(Appendixes 1-1, 1-2)。

6. 細胞増殖抑制試験による処理濃度の決定

染色体異常試験に用いる被験物質の処理濃度を決定するため、被験物質の細胞 増殖に及ぼす影響を調べた。

6.1. 試験条件

直接法では、細胞を3日間培養したのち培養液を捨て、シャーレに培養液5ml と各濃度の被験物質調製液25 ml を加え、48時間処理した。代謝活性化法においては、細胞を4日間培養したのち培養液を捨て、シャーレに、MEM培養液2ml、 S9mix (組成を以下に示す) 0.5 ml と 2 倍濃度の MEM培養液 0.5 ml を加え、更に 15 μl の被験物質調製液を加えて 6 時間処理した。処理後、新鮮な培養液に交換し、更に18時間培養した。処理濃度は、直接法、代謝活性化法ともに 3~100 μg/ml の範囲で試験を行った。

シャーレは1濃度について2枚用いた。

S9mix の組成

S9* 20 mM HEPES 50 mM MgC12 330 mM KC1 50 mM G-6-P 40 mM NADP 蒸留水	(pH 7.2)	3 2 1 1 1 1
	Total	10 ml

* \$9: Sprague-Dawley 系ラットにフェノバルビタールと 5,6-ベンゾフラボンを投与して調製したキッコーマン㈱製の \$9(ロット番号:RAA-260,1991年9月製造,RAA-265,1991年11月製造および RAA-271,1992年2月製造)を購入し、使用時まで−80℃の超低温槽内に保存した。製造後6か月以内に使用した。

6.2 標本作製法

培養終了後、培養液を捨てたのち、リン酸緩衝液(Ca⁺⁺, Mg⁺⁺を含む)で洗い、細胞がシャーレに付着した状態で10%中性ホルマリン溶液を加えて固定した。固定後、0.1%クリスタルバイオレットで染色した。

6.3. 増殖抑制の指標とその結果

被験物質の CHL細胞に対する増殖抑制作用は、単層培養細胞密度計(オリンパス)を用いて各群の増殖度を計測し、被験物質処理群の溶媒対照群に対する細胞 増殖の比をもって指標とした。 その結果、回帰直線式より算出した直接法における約50%の増殖抑制を示す 濃度は $16~\mu g/m l$ 、代謝活性化法では $40~\mu g/m l$ であった(Tables 1、2~ および Fig. 1)。

7. 実験群の設定

細胞増殖抑制試験の結果より、染色体異常試験で用いる被験物質の最高処理濃度を、直接法では 16 µg/ml、代謝活性化法では 40 µg/ml とし、それぞれ最高処理濃度の½の濃度を中濃度、¼の濃度を低濃度とした。

7.1 直接法

直接法では、3段階の処理濃度群に対照群を含め下記の11群を設けた。試験 の条件は細胞増殖抑制試験と同様とした。各群2枚のシャーレを用いた。

群	濃度(µg/ml)	処理時間(hours)
1)無処理対照 2)溶媒対照* 3)OP 4)OP 5)OP 6)陽性対照(MC)**	0 4 8 16 0.05	24 24 24 24 24 24
7)溶媒対照* 8)O:P 9)O P 10)O P 11)陽性対照(MC)**	0 4 8 16 0.05	48 48 48 48 48

^{*} 溶媒はDMSOを用い、培養液に 0.5% (v/v) 量添加した。

^{**} MC: Mitomycin C (協和醱酵工業㈱、ロット番号 703AJK) は注射 用蒸留水 (㈱大塚製薬工場、ロット番号 K1G70) に溶解して調製し た。この処理濃度で染色体異常を誘発することが知られている。

7.2 代謝活性化法

代謝活性化法では、対照群として S9mix を加えない群を含め、下記の11群を設けた。試験の条件は細胞増殖抑制試験と同様とした。各群 2 枚のシャーレを用いた。

j	群	濃度	(µg/ml)	S9mix の有無	処理時間(hours)
2) 3) 4) 5)	無処理対照 溶媒対照* O P O P O P 陽性対照(CPA)**		0 10 20 40 5		6- (18) 6- (18) 6- (18) 6- (18) 6- (18)
8) 9) 10)	溶媒対照* O P O P O P 陽性対照(CPA)**		0 10 20 40 5	+ + + +	6- (18) 6- (18) 6- (18) 6- (18) 6- (18)

^{*} 溶媒はDMSOを用い、培養液に 0.5% (v/v) 量添加した。

7.3 追加試験 ·

前項 7.2にしたがって試験を実施したところ、S9mix 非存在下の処理群では、低濃度群 (10 µg/ml) においても、分裂抑制のため染色体の分析が不可能であった。そこで、前回実施した S9mix 非存在下の低濃度群の½濃度 (5.0 µg/ml) を高濃度として、以下の濃度群を設定して追加試験を実施した。

試験条件は 7.2と同様とし、S9mix 非存在下であることから、陽性対照として $MC(0.1 \mu g/ml)$ を用いた。

^{**} CPA: Cyclophosphamide (Sigma Chemical Co., ロット番号 67F-0155) は注射用蒸留水 (㈱大塚製薬工場、ロット番号 K1G70) に溶解して調製した。この処理濃度で染色体異常を誘発することが知られている。

1)	無処理対照			
2)	溶媒対照*	0	_	6- (18)
3)	OP	1.3	_	6- (18)
4)	ΟP	2.5		6- (18)
5)	OP	5.0	week	6- (18)
6)	陽性対照(MC)**	0.1		6- (18)

^{*} 溶媒はDMSOを用い、培養液に 0.5% (v/v) 量添加した。

8. 染色体標本作製法

- 1) 培養終了の2時間前に、コルセミドを最終濃度が約0.1 µg/ml になるように培養液に加え、培養終了後各群の細胞をリン酸緩衝液(Ca⁺⁺, Mg⁺⁺を含まない)で洗い、0.25%トリプシン溶液を用いてはがし、10 ml の遠沈管に集めた。
- 2) 1,000~1,200 rpm で 5 分間遠沈し、上清を捨てたのち沈澱した細胞に 3 mlの 0.075M KC1 溶液を加えることにより約30分間低張処理を行った。
- 3) 低張処理後、低張液の上層にカルノア液(酢酸:メタノール=1:3 v/v) 約6 mlを加え、下方から静かにピペッティングして混和させて固定し、その後 1,000~1,200 rpm で 5 分間遠沈した。
- 4) 遠沈後上清を除き、再び新鮮なカルノア液を加えて細胞をピペッティング により再浮遊させ 1,000~1,200 rpm で 5 分間遠沈した。この操作を数回繰 り返した。
- 5) 遠沈して得た白色の細胞沈澱物に、0.2~0.5 ml のカルノア液を加え十分に懸濁させた。

^{**} MC: Mitomycin C (協和酸酵工業㈱、ロット番号 703AJK) は注射 用蒸留水 (㈱大塚製薬工場、ロット番号 K1G70) に溶解して調製し た。この処理濃度で染色体異常を誘発することが知られている。

- 6) 細胞浮遊液の少量を、あらかじめ洗浄しておいたスライドグラス上に滴下 し、そのまま風乾した。
- 7) スライド標本は各シャーレにつき6枚作製した。
- 8) スライドグラスのフロスト部分に鉛筆で、試験系識別番号、暗番号および スライド番号を記入した。
- 9) 乾燥したスライドは、ギムザ原液 (Merck) 4.5 ml を M/15 リン酸緩衝液 (pH 6.8) 150 ml に溶かした染色液で約8分間染色後、蒸留水で軽くすすい で風乾した。
- 10) 染色したスライド標本は、暗番号順にスライドケースに入れ、ケースには 試験系識別番号、標本作製の日付を明示して保存した。

9. 染色体分析

作製したスライド標本のうち、1つのシャーレから得られた異なる標本を、複数の観察者がそれぞれブラインドの状態で分析した。すなわち、染色体が分散していないよく広がった分裂中期像を探し、異常を有する細胞については、スライド上のその位置を顕微鏡のステージの位置で記録用紙に記録した。

染色体の分析は、日本環境変異原学会、哺乳動物試験 (MMS) 分科会による分類法に基づいて行い、染色体型あるいは染色分体型のギャップ、切断、交換などの構造異常の有無と倍数性細胞 (polyploid) の有無について観察した。また構造異常については1群200個、倍数性細胞については1群800個の分裂中期細胞を分析した。

10. 記録と判定

無処理対照、溶媒および陽性対照群と被験物質処理群についての分析結果は、 観察した細胞数、構造異常の種類と数、倍数性細胞の数について集計し、各群の 値を記録用紙に記入した。

染色体異常を有する細胞の出現頻度について、フィッシャーの "Exact probability test" 法により溶媒対照群と被験物質処理群間および溶媒対照群と陽性 対照群間の有意差検定を行った。

被験物質の染色体異常誘発性についての最終判定は、石館らの判定基準に従い、 染色体異常を有する細胞の頻度が5%未満を陰性、5%以上10%未満を疑陽性、 10%以上を陽性とした。

結果と考察

直接法による染色体分析の結果を Table 3 に示した。

OP を加えて24時間および48時間処理した低濃度および中濃度の各群において、いずれも染色体の構造異常と倍数性細胞の出現頻度に有意な増加は認められず、全ての処理群で陰性であった。一方、高濃度群については、分裂抑制のため、観察可能な分裂中期細胞がみられなかった。

代謝活性化法による染色体分析の結果を Table 4 に示した。

OP を加えて S9mix 非存在下で 6 時間処理した各濃度群においては、いずれも分裂抑制のため、観察可能な分裂中期細胞がみられなかった。一方、S9mix 存在下では、中濃度において倍数性細胞が有意(p=0.0192)に増加したが、染色体の構造異常については全ての処理群で有意な増加は認められなかった。分裂抑制のため観察不能であった S9mix 非存在下の群については、さらに低い濃度を設定して追加試験を実施した(Table 5)。その結果、5.0 μg/ml の濃度では、分裂抑制のため、ほとんど分裂中期細胞が得られなかったが、1.3 μg/ml および2.5 μg/ml の濃度では、構造異常および倍数性細胞ともに有意な増加はみられなかった。従って、代謝活性化法における最終判定は、全ての処理群で陰性となった。

上記の試験において、直接法(24時間および48時間)における8 µg/ml の処理 濃度では染色体分析は可能であったが、代謝活性化法における S9mix 非存在下の5 µg/ml の処理濃度では分裂細胞が得られなかった。その理由としては、S9mix 存在下では0P による細胞毒性が著しく低減されることから、直接法の処理培養液中に含まれている10%の血清が代謝的に作用していることや、5~8 µg/ml の濃度付近が分裂抑制のかかる限界であることなどが考えられる。

陽性対照として用いた直接法での MC 処理群、および S9mix 存在下での CPA

処理群では染色分体交換 (cte) や染色分体切断 (ctb) などの構造異常をもつ細胞が高頻度に誘発された。

なお、本試験の実施にあたり、試験の信頼性に悪影響を及ぼす疑いのある予期 し得なかった事態及び試験計画書からの逸脱はなかった。

結 論

ケオクチルフェノールは、直接法の24時間および48時間処理によるいずれの試験においても、CHL細胞に染色体の構造異常と倍数性細胞を誘発しなかった。また、代謝活性化法の6時間処理による各処理群においても、同様に染色体異常誘発作用は認められなかった。

従って、かオクチルフェノールは、上記の試験条件下で染色体異常を誘発しないと結論した。

文 献

- 1)日本環境変異原学会・哺乳動物試験分科会編:化学物質による染色体異常アトラス、朝倉書店 1988
- 2)石館 基 監修: <改訂>染色体異常試験データ集, エル・アイ・シー社, 1987

Table 1 Inhibition of cell growth treated with p-octylphenol (OP) for 48 hours by direct method in CHL cells

Concentration	Cell growth (% of control)									
of OP (μg/ml)			Average							
0	100,	100	100.0							
3	115,	96	105.5							
6	110,	104	107.0							
13	61,	69	65.0							
25	0,	0	0.0							
50	0,	0	0.0							
100	0,	0	0.0							

Cell growth was counted by Monocellater TM (OLYMPUS)

Table 2 Inhibition of cell growth treated with p-octylphenol (OP) for 6 hours by metabolic activation method in CHL cells

Concentration of OP	Cell growth (% of control)									
(μ g/ml)			Average							
0	100,	100	100.0							
3	106,	110	108.0							
6	108,	112	110.0							
13	101,	110	105.5							
25	85,	92	88.5							
50	26,	24	25.0							
100	29,	32	30.5							

Cell growth was counted by Monocellater TM (OLYMPUS)

Table 3 Results of chromosome analysis of Chinese hamster cells (CHL) treated with p-octylphenol (PO) by direct method

Group	Concent- ration	Time of exposure		No. of structural aberration 2)								Others ³⁾	No. of o with aber	Polyploid	5) ement		
•	$(\mu g/ml)$	(hr)	analysed	gap	ctb	cte	csb	cse	f				TAG (%)	TA (%)	(%)	SA	NA
Control			200	3	0	0	0	0	0	0	3	0	3 (1.5)	0 (0.0)	0.38		
Solvent ¹⁾	0	24	200	4	0	0	0	0	0	0	4	0	4 (2.0)	0 (0.0)	0.75		
PO	4	24	200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 (0.0)	0 (0.0)	0.13		· —
PO	8	24	200	7	0	0	0	0	0	0	7	0	7 (3.5)	0 (0.0)	0.13	_	-
PO	16	24	0													Tox	Tox
MC	0.05	24	200	30	40	40	0	1	0	10	121	0	69 *(34.5)	57 *(28.5)	0.38	+	_
Solvent ¹⁾	0	48	200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 (0.0)	0 (0.0)	0.75		
PO	4	48	200	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1 (0.5)	0 (0.0		_	
PO	8	48	200	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1 (0.5)	0 (0.0)	0.25	_	_
PO	16	48	0										, ,	•		Tox	Tox
MC	0.05	48	200	18	24	33	2	2	0	10	89	1	52 *(26.0)	39 *(19.5)	0.13	+	_

Abbreviations: gap: chromatid gap and chromosome gap, ctb: chromatid break, cte: chromatid exchange, csb: chromosome break, cse: chromosome exchange (dicentric and ring etc.), f: fragment (deletion), mul: multiple aberrations, TAG: total no. of cells with aberrations, TA: total no. of cells with aberrations except gap, SA: structural aberration, NA: numerical aberration, MC: mitomycin C. Tox: toxicity 1) Dimethylsulfoxide was used as solvent. 2) More than ten aberrations in a cell were scored as 10.

³⁾ Others, such as attenuation and premature chromosome condensation, were excluded from the no. of structural aberrations.

⁴⁾ Eight hundred cells were analyzed in each group. 5) Judgement was done on the basis of the criteria of Ishidate et al. (1987).

^{*:} Significantly different from solvent control at p<0.05

Table 4 Results of chromosome analysis of Chinese hamster cells (CHL) treated with p-octylphenol (PO) by metabolic activation method

Group	Concent-	S 9 mix	Time of exposure			N	o. of	stru	ctura	l ab	erratio		Others ³⁾	No. of cells with aberrations		Polyploid ⁴ ,	Judgement 5)	
	(µg/ml)		(hr)	analysed	gap	ctb	cte	csb	cse	f	mul	total		TAG (%)	TA (%)	(%)	SA	NA
Control,				200	1	0	. 0	0	0	0	0	1	0	1 (0.5)	0 (0.0)	0.13		
Solvent	0	_	6 - (18)	200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 (0.0)	0 (0.0)	0.50		
PO	10		6 - (18)	0													Tox	Tox
PO	20	_	6 - (18)	0													Tox	Tox
PO	40		6 - (18)	0													Tox	
CPA	5		6 - (18)	200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 (0.0)	0 (0.0)	0.00	_	
Solvent ¹⁾	0	+	6 - (18)	200	1	1	0	0	0	0	0	2	0	2 (1.0)	1 (0.5)	0.13		
PO	10	+	6 - (18)	200	5	0	0	0	0	0	0	5	0	5 (2.5)	0 (0.0)			
PO	20	+	6 - (18)	200	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1 (0.5)	0 (0.0)			
PO	40	+	6 - (18)	200	5	8	1	0	0	0	0	14	0	8 (4.0)	4 (2.0)			_
СРА	5	+	6 - (18)	200	23	11	28	0	0	0	0	62	0	48 *(24.0)	33 *(16.5)		+	

Abbreviations: gap: chromatid gap and chromosome gap, ctb: chromatid break, cte: chromatid exchange, csb: chromosome break, cse: chromosome exchange (dicentric and ring etc.), f: fragment (deletion), mul: multiple aberrations, TAG: total no. of cells with aberrations except gap, SA: structural aberration, NA: numerical aberration, CPA: cyclophosphamide. Tox: toxicity 1) Dimethysulfoxide was used as solvent. 2) More than ten aberrations in a cell were scored as 10. 3) Others, such as attenuation and premature chromosome condensation, were excluded from the no. of structural aberrations.

⁴⁾ Eight hundred cells were analyzed in each group. 5) Judgement was done on the basis of the criteria of Ishidate et al. (1987).

^{*:} Significantly different from solvent control at p < 0.05

Table 5 Results of chromosome analysis of Chinese hamster cells (CHL) treated with p-octylphenol (PO) by metabolic activation method

Group		Time of exposure			No	o. of	stru	ctura	ıl ab	erratio		Others ³⁾	No. of ce with aberra	Polyploid ⁴	Judgement 5)		
•	(µg/ml)	-	analysed	gap	ctb	cte	csb	cse	f	mul	total		TAG (%)	TA (%)	(%)	SA	NA
Control,			200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 (0.0)	0 (0.0)	0.25		
Solvent ¹⁾	0	 6 - (18)	200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 (0.0)	0 (0.0)	0.25		
PO	1.3	 6 - (18)	200	1	0	0	0	0	0	0	1	0	1 (0.5)	0 (0.0)	0.00	 .	_
PO	2.5	 6 - (18)	200	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0 (0.0)	0 (0.0)	0.25	_	_
PO	5.0	 6 - (18)	4	0	2	1	0	0	0	0	3	0	2 (50.0)	2 (50.0)	0.00 6)	Tox	Tox
MC	0.1	 6 - (18)	200	12	21	40	0	1	0	0	74	0	52 *(26.0)	46*(23.0)	0.13	+	

Abbreviations: gap: chromatid gap and chromosome gap, ctb: chromatid break, cte: chromatid exchange, csb: chromosome break, cse: chromosome exchange (dicentric and ring etc.), f: fragment (deletion), mul: multiple aberrations, TAG: total no. of cells with aberrations except gap, SA: structural aberration, NA: numerical aberration, MC: mitomycin C. Tox: toxicity 1) Dimethysulfoxide was used as solvent. 2) More than ten aberrations in a cell were scored as 10. 3) Others, such as attenuation and premature chromosome condensation, were excluded from the no. of structural aberrations.

4) Eight hundred cells were analyzed in each group. 5) Judgement was done on the basis of the criteria of Ishidate et al. (1987).

6) Four cells were analyzed. *: Significantly different from solvent control at p<0.05

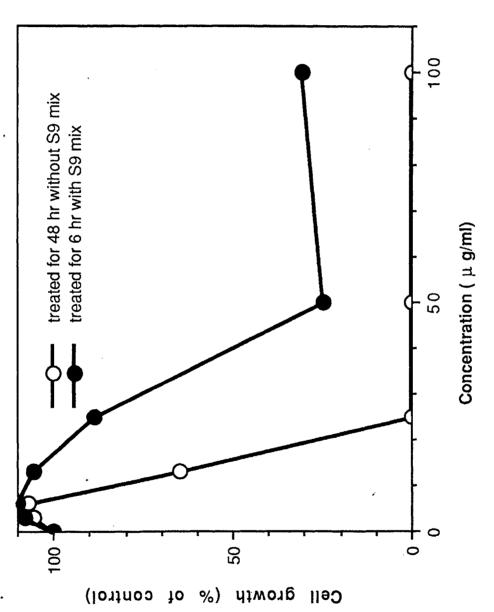


Fig. 1 Inhibition of cell growth treated with p-octylphenol in CHL cells